**Application form**

**Assessment of clinical research involving gene therapeutics in the Netherlands**

**-**

***Simplified procedure***

***naked DNA***

**November 2018**

**Application form**



**Assessment of clinical study involving gene therapeutics – *Simplified procedure***

Part A: Bio-safety aspects

A1. Review of the simplified procedure naked DNA

A2. Naked nucleic acid – Simplified procedure

A3. Standard regulations and environmental risk assessment

A4. Conclusions about the possible environmental impacts

Part B: Patient-related aspects (*not included in this form*)

If you have any questions, please get in touch with the Gene Therapy Office

(E-mail: rik.bleijs@rivm.nl, phone: +31-30-2747569).

November 2018

**CONTENTS**

Part A. Bio-safety aspects 4

A1. Review of the simplified procedure naked DNA 5

A2. Naked nucleic acid - Simplified procedure 7

A3. Standard regulations and environmental risk assessment 10

DEEL 1. Kenmerken van de in deze aanvraag gebruikte GGO´s en hun introductie. 10

A. Het ouderorganisme 10

B. De genetische modificatie 10

C. Het GGO 12

D. Milieugerelateerde gegevens afkomstig uit eerdere experimenten 12

E. Proefpersoon gebonden aspecten 12

F. Informatie over plannen voor beheersing, controle, follow-up en afvalbehandeling 13

G. Productie en Batch 13

DEEL 2. Milieurisicobeoordeling van de aangevraagde werkzaamheden. 14

DEEL 3. Bepaling van het algehele risico van de toepassing van naakt DNA. 22

A4. Conclusions of the possible environmental effects 23

# Part A. Bio-safety aspects

This part of the application form provides the information needed for the Ministry of Infrastructure and Water Management (IenW) to grant the necessary licenses.

All information provided in this form and the accompanying documentation constitutes part of the decision to be made and for this reason is in principle open to inspection by the public; the information will also be available for such public inspection during the procedure.

The applicant may ask for parts of the information provided to be kept confidential. In that case, the applicant must give reasons why the information is of a confidential nature as well as a convincing explanation that the lifting of confidentiality will adversely affect the applicant’s competitive position. A publicly available summary of confidential information must be given, containing enough information for a clear general understanding of the application and in order to assess the risk analysis as described in the application and the decision. Confidential information must be included in a separate attachment marked ‘confidential’.

An application does not need to be limited to the specific clinical protocol that the applicant wishes to perform. If there are no consequences for the risk analysis, the application can be drawn up with a wider scope, such as for a larger number of patients.

The aim is to draw up the final decision in such a way that several clinical protocols can be performed under it, using the information described in this application. Naturally these activities must be covered by the description of the experiment and the risk analysis provided. Before submitting such a broader application, you are advised to contact the GMO office for an informal discussion of the options.

The term ‘test subjects’ as used in this form means patients or volunteers taking part in the study.

This Notification Form may contain some questions that are not relevant to your case. We would ask you NOT to answer in your notification any questions that are irrelevant to the activities for which you are applying.

Specific issues:

* Confidential information has to be marked as such and has to be sent in separately.
* A SNIF B (other GMO) form has to be completed and to be sent in as an electronic file.

# A1. Review of the simplified procedure naked DNA

The use of naked DNA in clinical or veterinary trials is understood to mean the administration of DNA molecules to human beings or animals for which no macro-molecules of viral origin are used as auxiliary substances, such as parts of a capsid. There are two procedures that can be followed when applying to conduct these types of studies: the **simplified procedure** and the **standard procedure**. The simplified procedure may apply to naked DNA if certain preconditions are met. For example, it must concern plasmid DNA without viral sequences. However, a number of frequently applied viral sequences, such as CMV promoters, RSV promoters, SV40 polyadenylation signals or SV40 nuclear targeting sequences, are allowed to be used on certain conditions and may be permitted after following the simplified procedure. These viral sequences are named in Article 35, under Section a7 of the Dutch GMO Regulation. Furthermore, you must confirm that the broad environmental risk assessment as drawn up by the Minister applies to the study for which you are submitting the application. This type of application is subsequently indicated as ‘the use of naked DNA without viral sequences’. If the use of naked DNA does not meet the criteria, or if you cannot agree to the standard regulations or environmental risk assessment, then you are required to fill out the application form for the standard procedure. This form can be downloaded from the website of the Gene Therapy Office (www.loketgentherapie.nl).

In order to determine whether the simplified procedure applies to your application, please answer the questions below, starting with question Q.1.

**Q.1 Does the nucleic acid contain one of the following sequences?**

Sequences of viral origin, other than the excluded sequences named under Article 35, Section a7 of the Dutch GMO Regulation.

Antibiotic-resistance genes, other than those that confer resistance solely to kanamycin or neomycin.

***The simplified procedure does not apply if you have ticked either of these boxes. Please fill out the application form for the standard procedure.***

No, the nucleic acid does not contain any of the above sequences.

***Proceed to question Q.2.***

**Q.2 Does the nucleic acid meet the preconditions?**

The naked DNA contains a CMV promoter as named under Article 35, Section a7 of the GMO Regulation, AND will be administered to newborns or immunocompromised test subjects.

***The simplified procedure does not apply. Please fill out the application form for the standard procedure.***

The abovementioned situation does not apply to this permit application.

***Proceed with question Q.3.***

**Q.3 How will the nucleic acid be administered?**

The naked DNA will be injected directly into the skin or striated muscle tissue, or by means of tattooing.

***If you have ticked this box, please proceed with question Q.4.***

The naked DNA will be administered in a different way.

***If you have ticked this box, the simplified procedure does not apply. Please fill out the application form for the standard procedure.***

**Q.4 Is the production of the nucleic acid part of this application?**

* No, the production is not part of this permit application.

***If you have ticked this box, please proceed with question Q.5.***

* Yes, the production of the nucleic acid is part of this permit application.

***If you have ticked this box, the simplified procedure does not apply. Please fill out the application form for the standard procedure.***

**Q.5 Does the standard environmental risk assessment apply (A3: Standard regulations and environmental risk assessment, AND A4: Conclusions about the possible environmental impacts)?**

Yes, the standard environmental risk assessment applies.

***If you have ticked this box, please proceed with the simplified procedure, starting from question A2.1.***

No, the standard environmental risk assessment does not apply.

***If you have ticked this box, the simplified procedure does not apply. Please fill out the application form for the standard procedure.***

# A2. Naked nucleic acid - Simplified procedure

*This form for the simplified procedure should not contain any confidential information.*

**A2.1. Title of the application:**   
*Provide a general title that also includes the purpose of the study.*

**A2.2. At which locations will the intended work take place?**

*Since the work applied for may only be carried out under the direct control of the license holder, it is only possible to carry out work at several locations if the license holder has full control of the way in which the work being applied for is carried out at all locations, in such a way that the license conditions are complied with. In that case you must state for each location what work will be carried out at which address and in which building. To clarify: you must state for all activities at which location they will be carried out. Apart from the location for the clinical activities with the GMO, you must also state the location or locations of laboratories in which activities with the GMO are carried out under the terms of this license application, such as procedures with patient samples.   
In cases where central control is not possible, such as with a multi-center study, a separate application must be submitted for each location.*

**A2.3. Name of legal entity:**

*Only the legal entity that has final responsibility for the work to be carried out may act as the applicant. This means that the applicant will normally be the Board (management) of the hospital (institution) where the treatment will be given. The license holder must be able to enforce compliance with the license regulations when carrying out the work. In order to do so, it is necessary for the employees involved in the clinical procedures to come under the authority of the license holder. For this reason, employees must be directly employed by the license holder. In those cases where an employee does not come under the authority of the license holder, such as where a treating doctor is part of a partnership that is independent of the license holder, an employment contract must be arranged for carrying out work under the license, such as through a zero-hours contract with the license holder. A contract must be concluded with the party or parties carrying out this work for non-clinical procedures that are not carried out in the institution in question, in such a way that final responsibility continues to rest with the license holder.*

**A2.4 Chamber of Commerce (KvK) number:**

**A2.5. Visiting address of legal entity:**

**A2.6. Postal code and town/city of location of legal entity:**

**A2.7. Size of the study, i.e. its duration and the number of test subjects it involves.**

*The permit should state the time period within which the research is to be conducted. An end date can also be indicated. The chosen end date will be included in the permit. An extension of this permit can be applied for, but please note that an extension procedure must be completed before the permit’s original end date.   
In addition, you must indicate a maximum number of test subjects.*

**A2.8. Describe all the sequences in the nucleic acid to be administered, including their biological functions and origins, such as the coding and regulatory sequences.**

*You are to supply an overview of the constituent parts of the naked nucleic acid, indicating the biological function and origin of each part. This overview may be presented as a plasmid map with annotation of the indicated elements. All constituent parts must be named.*

**A2.9. Method of processing and analyzing the samples taken after administering the naked nucleic acid.**

*If the processing and analysis of the samples taken after administering the nucleic acid are not part of this application, you must indicate whether these activities will be carried out under an existing permit for Contained Use (stating the number of the GMO permit concerned), or whether they will not be carried out in the Netherlands.*

**A2.10. For the simplified procedure, the following preconditions also must be complied with:**

1. The standard environmental risk assessment (A3. Standard regulations and standard environmental risk assessment) as well as the conclusions about the possible environmental impacts (A4. Conclusions about the possible environmental impacts) both apply to this permit application.
2. The naked nucleic acid contains no viral or antibiotic-resistance sequences, with the exception of the permitted sequences as named in Article 35 under Sections a7 and a8 of the GMO Regulation.
3. The identity and constituent parts of the naked nucleic acid have been determined using sequence analysis.
4. The production of the naked nucleic acid is not part of this permit application.
5. During the production process, the batch will be subject to various generally accepted quality control procedures, as stated in the European Pharmacopoeia, in order to guarantee the identity, pureness and sterility of the product.
6. All production work is carried out according to current Good Manufacturing Practice (cGMP).
7. Apart from the DNA preparation, no other nucleic acids of any nature, including oligonucleotides, will be added to the batch.
8. The batch will be free of contaminated DNA and free of organisms, including any replication-competent or other viruses.
9. The batch will be discarded if it does not meet the required quality control standards.
10. The naked nucleic acid will not be administered into the reproductive glands.
11. The naked nucleic acid will solely be administered by direct injection into the skin or striated muscle tissue or by tattooing.
12. The administration area will be properly disinfected directly preceding administration, using an alcohol-based disinfectant.
13. After administration, the administration area will be thoroughly cleansed using sterile water or a saline solution and then dried.
14. During the clinical trial, kanamycin and neomycin cannot be used on the administration area if the naked DNA contains a gene that is resistant to kanamycin or neomycin.
15. General hospital hygiene measures will be employed during the administration of the naked DNA, when any samples are being taken from test subjects, when such samples are being processed for the purpose of the study, and in processing the waste.
16. The transportation of samples taken after treatment must comply with the conditions specified in Appendix 1 of the GMO Regulation.
17. Samples taken after treatment will be stored according to the handling and organizational regulations for ‘other part of the GMO field’ (´*overig deel GGO-gebied -ODG*), as stated in Appendix 9 of the GMO Regulation.

* I declare that the above 17 preconditions will be observed.

# A3. Standard regulations and environmental risk assessment

*This part is in Dutch only.*

## DEEL 1. Kenmerken van de in deze aanvraag gebruikte GGO´s en hun introductie.

Kenmerkend voor aanvragen voor medische toepassingen van naakt DNA is dat geen ggo’s worden toegediend aan de proefpersoon, maar zogenaamd “naakt DNA”; er is pas een kans op het ontstaan van ggo’s in het lichaam van de proefpersoon nadat deze het DNA heeft toegediend gekregen. Het eventuele ontstaan van ggo’s is een direct gevolg van deze toediening.

### A. Het ouderorganisme

1. Het ouderorganisme van het bij de toepassing ontstane ggo is de menselijke lichaamscel waarin het toegediende DNA wordt opgenomen.
2. Voor de MRB is het slechts van belang om onderscheid te maken tussen twee typen cellen waarin het DNA kan worden opgenomen: afhankelijk van de toedieningswijze kan het gaan om somatische cellen en/of om cellen die behoren tot de kiembaan.
3. Uitsluitend kiembaancellen kunnen aanleiding geven tot verticale transmissie van genetisch materiaal naar nakomelingen.

### B. De genetische modificatie

1. De genetische modificatie wordt bewerkstelligd door toediening van naakt DNA, dat geen onderdeel uitmaakt van een organisme, daaronder mede begrepen een virus of virale vector. Het naakte DNA kan ieder gewenste samenstelling hebben, zolang voldaan wordt aan de eisen die worden gesteld in de punten 5 – 13.
2. Het naakte DNA bevat geen sequenties die bacteriën resistentie bieden tegen antibiotica, met uitzondering van een eventueel aanwezig antibioticum-resistentie gen tegen uitsluitend kanamycine of neomycine.
3. Het naakte DNA bevat geen sequenties die afkomstig zijn, of afgeleid zijn, van een voor eukaryoten infectieus virus, met uitzondering van een eventueel aanwezige CMV-promoter, een RSV-promoter, een SV40 polyadenyleringssignaal en/of een SV40 nucleaire ‘targeting’ sequentie.
4. De CMV promoter is de *Human cytomegalovirus* (HCMV, HHV-5) *major immediate-early protein* gene promoter met een sequentie van maximale lengte zoals deze is vastgelegd in de Nucleotide Database van het National Center for Biotechnology Information (NCBI, http://www.ncbi.nlm.nih.gov/nucleotide, 1 juli 2013) (Genbank Accessie nummer M60321).
5. HCMV is een DNA virus dat behoort tot de *Herpesviridae*. HCMV (HHV-5) is het prototype virus van de *humane betaherpesvirus* familie waartoe ook *humaan herpesvirus 6* (HHV-6) en HHV-7 behoren. *Betaherpesvirussen* vertonen strikte gastheerspecificiteit: de virussen kunnen uitsluitend de gastheersoort infecteren waaruit ze zijn geïsoleerd. De seroprevalentie tegen HCMV ligt in westerse landen rond de 60%. Infectie met HCMV vindt voornamelijk via de orale en seksuele route plaats, via lichaamsvloeistoffen. Infecties met HCMV in de mens verlopen in immuuncompetente personen zonder klinische symptomen. Primaire infectie van gezonde individuen met HCMV is gewoonlijk asymptomatisch en resulteert in een levenslange latente aanwezigheid in de gastheer. Door effectieve controle door het immuunsysteem wordt normaal gesproken geen ziekte veroorzaakt door HCMV in gezonde individuen waargenomen. In gezonde (immuuncompetente) personen fungeren met name voorlopers van witte bloedcellen, gladde spiercellen en endotheelcellen als plaatsen voor een infectie die resulteert in latente aanwezigheid en eventuele reactivatie van het HCMV virus. Ernstige symptomen van primaire HCMV infectie en reactivatie, zoals retinitis, hepatitis en colitis, worden met name waargenomen in pasgeborenen en in immuungecompromitteerde personen, in het bijzonder transplantatie en HIV patiënten[[1]](#footnote-1).
6. De RSV promoter is de *Rous sarcoma virus* (Schmidt-Ruppin) promoter met een sequentie van maximale lengte zoals deze is vastgelegd in de Nucleotide Database van het NCBI (Genbank Accessie nummer J02025.1).
7. Het *Rous Sarcoma Virus* (RSV), waarvan de RSV promoter is afgeleid, is een type C aviair retrovirus dat van nature kippen infecteert.Een RSV infectie bij mensen leidt niet tot een productieve infectie vanwege de inactivatie van type C retrovirussen door humaan serum. Deze inactivatie treedt op door activatie van het klassieke complement systeem. Tevens spelen humane antilichamen een rol die gericht zijn tegen specifieke koolhydraat antigenen aanwezig in glycoproteines en glycolipiden zoals die zich bevinden in de envelop van allerlei virale deeltjes geproduceerd door zoogdiercellen[[2]](#footnote-2).
8. Het SV40 polyadenyleringssignaal is een sequentie van het *Simian virus 40* (SV40) met een maximale lengte van rond de 200-300 basenparen. Een polyadenyleringssignaal zorgt ervoor dat er een poly-A staart aan het mRNA wordt gezet om het mRNA te stabiliseren. Het motief dat herkend wordt op het mRNA is meestal AAUAAA, maar er bestaan alternatieve motieven. Het motief wordt herkend door de cleavage and polyadenylation specificity factor (CPSF), waarna er een splitsing volgt van het mRNA ongeveer 30 basen ‘downstream’ van het polyA signaal. Alle in eukaryoten tot expressie komende sequenties bezitten een polyA signaal3.
9. De SV40 nuclear targeting sequentie is een sequentie van gemiddeld 100 bp van het *Simian virus 40* (SV40). Een nucleair targeting sequentie in het DNA dat via een niet-virale methode in de cel is gebracht, kan ervoor zorgen dat er een binding is met peptiden die een 'nuclear localization signal' (NLS) bevatten, waardoor transport van het DNA naar de celkern bevorderd wordt. Een van de sequenties die toegepast worden is een sequentie van het *Simian virus 40* (SV40)[[3]](#footnote-3).
10. SV40 is een virus dat van nature voorkomt bij apen. Natuurlijke infectie van SV40 bij mensen wordt beschouwd als een zeldzame gebeurtenis, die beperkt blijft tot mensen die in contact komen met geïnfecteerde apen. Gedurende de poliovaccinatie tussen 1955 en 1963 zijn mensen accidenteel blootgesteld aan SV40, omdat het vaccin bereid werd uit poliovirussen geteeld in natuurlijk door SV40-geïnfecteerde apen celculturen. SV40 werd voornamelijk gedetecteerd in de nieren en urine wat er op duidt dat het virus latent aanwezig kan zijn in de nieren. Dit komt overeen met de biodistributie van SV40 infecties in apen. In bot- en hersentumoren, lymphomen en mesotheliomen in mensen kan SV40 ook aangetroffen worden. In de meeste gevallen konden SV40 sequenties alleen middels PCR aangetoond worden, wat duidt op zeer lage aantallen van SV40. Hoewel SV40 onder laboratorium condities menselijke cellen kan transformeren tot tumorcellen, is er geen onomstotelijk wetenschappelijk bewijs dat een SV40 infectie bij mensen leidt tot kanker. Het National Cancer Institute in de VS heeft in 2004 verklaard dat substantieel epidemiologisch bewijs aangeeft dat SV40 waarschijnlijk geen kanker veroorzaakt bij de mens3,[[4]](#footnote-4).

### C. Het GGO

1. De genetisch gemodificeerde menselijke cel bevat het in onderdeel B beschreven gekarakteriseerde DNA. De verwachting is dat de genen die op dit DNA aanwezig zijn tot expressie zullen komen op basis van de regulatoire elementen die daartoe op het DNA zijn aangebracht.
2. Menselijke cellen kunnen buiten het lichaam van de proefpersoon komen, maar kunnen zich daar onder milieuomstandigheden, zonder dat er bijzondere voorzorgen worden genomen voor hun instandhouding, niet handhaven en zullen direct na vrijkomen worden geïnactiveerd. Dit is eveneens het geval voor genetisch gemodificeerde menselijke cellen die in het lichaam van de proefpersoon zijn ontstaan. De genetische modificaties hebben geen invloed op de overleving van deze cellen in het milieu.
3. Indien het naakte DNA virale sequenties bevat (een CMV-promoter, een RSV-promoter, een SV40 polyadenyleringssignaal en/of een SV40 nucleaire ‘targeting’ sequentie) kan daardoor homologe recombinatie optreden met wildtype virussen indien een cel tegelijkertijd het naakte DNA bevat en met een virus geïnfecteerd is. De vorming van recombinante virussen kan optreden door homologe recombinatie tussen de aanwezige virale sequenties en wildtype virussen. De mate van sequentiehomologie tussen de virale sequentie en een virus is mede bepalend voor de kans op het optreden van recombinatie.

### D. Milieugerelateerde gegevens afkomstig uit eerdere experimenten

1. Zowel in Nederland als in het buitenland is een groot aantal experimenten bekend waarbij naakt DNA is toegediend aan proefpersonen en proefdieren.
2. Uit deze experimenten blijkt dat eigenschappen die op het toegediende DNA gecodeerd liggen, tot expressie komen in het lichaam van de proefpersoon. Hieruit kan worden afgeleid dat het toegediende DNA wordt opgenomen in lichaamscellen; er wordt vanuit gegaan dat er hierbij genetisch gemodificeerde cellen kunnen en zullen ontstaan.
3. Uit eerdere studies1 zijn geen gegevens bekend waaruit zou blijken dat er vanuit een proefpersoon, waaraan naakt DNA is toegediend, verspreiding van het toegediende naakte DNA in het milieu optreedt; nadelige effecten als gevolg van shedding van toegediend naakt DNA zijn nog nooit beschreven.
4. Verticale transmissie van naakt DNA vormt uitsluitend een risico indien het DNA direct in de geslachtsklieren wordt geïnjecteerd. Uit experimentele gegevens in proefdieren blijkt dat indien het naakte DNA na toediening buiten de geslachtsklieren de circulatie bereikt het snel wordt afgebroken in het bloed. In proefdieren (muizen en varkens) en proefpersonen blijkt dat injectie van naakt DNA buiten de geslachtsklieren niet leidt tot kiembaantransmissie1. Door toediening buiten de geslachtsklieren en afbraak in de circulatie wordt blootstelling van kiembaancellen aan het DNA afdoende voorkomen, en wordt opname van DNA door kiembaancellen effectief voorkomen.

### E. Proefpersoon gebonden aspecten

1. De toedieningswijze betreft tatoeage of directe injectie in de huid of dwarsgestreepte spieren.
2. Het naakte DNA wordt niet geïnjecteerd in de geslachtsklieren.

### F. Informatie over plannen voor beheersing, controle, follow-up en afvalbehandeling

1. Voorafgaand aan de toediening van het naakte DNA wordt de toedieningsplaats adequaat ontsmet met een op alcohol gebaseerd desinfectans.
2. Na afloop van de toediening wordt de toedieningsplaats gereinigd met steriel water of een steriele zoutoplossing, om eventueel nog aanwezig DNA te verwijderen. Daarna wordt de toedieningsplaats op steriele wijze droog gemaakt.
3. Algemene ziekenhuishygiënische maatregelen worden in acht genomen tijdens de toediening van het naakte DNA, tijdens eventuele monstername bij de proefpersoon, bij eventuele bewerking van monsters die in het kader van de studie plaatsvindt en bij de verwerking van afval.
4. Tijdens de klinische studie mogen kanamycine en neomycine niet gebruikt worden op de toedieningsplaats indien het naakte DNA een antibioticum-resistentie gen tegen uitsluitend kanamycine of neomycine bevat.

### G. Productie en Batch

1. De productie van de batch vindt niet plaats onder de aangevraagde werkzaamheden.Alle productiehandelingen met het naakte DNA vinden plaats volgens current Good Manufacturing Practice (cGMP).
2. De te gebruiken batch voldoet aan de volgende criteria:  
   (a) Tijdens de productie zal de batch onderhevig zijn aan diverse algemeen aanvaarde kwaliteitstesten, zoals gesteld in de European Pharmacopoeia, om identiteit, zuiverheid en steriliteit van het product te waarborgen.

(b) Naast het beschreven DNA preparaat wordt aan de batch geen ander nucleïnezuur, daaronder mede begrepen oligonucleotiden, van welke aard dan ook toegevoegd.

(c) De batch is vrij van verontreinigend DNA en is vrij van organismen, daaronder mede begrepen al dan niet replicatie competente virussen.

(d) De batch zal worden verworpen indien niet aan de gestelde kwaliteitscontroles wordt voldaan.

## DEEL 2. Milieurisicobeoordeling van de aangevraagde werkzaamheden.

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Bepaling van eigenschappen die schadelijke effecten kunnen hebben**  *(Identificatie en toelichting “oorzaak-gevolg” relaties)* | **Evaluatie van de mogelijke gevolgen van elk schadelijk effect, indien dit optreedt, en evaluatie van de waarschijnlijkheid van het optreden** *(rekening houdend met de wijze van introductie en het introductie milieu)* | **Schatting van het risico dat aan de betreffende eigenschap van het GGO verbonden is** |
| **A. Persistentie en invasiviteit** | | |
| Het naakte DNA preparaat wordt toegediend met een dosis die gebruikelijk is in medische protocollen.Na toediening aan een proefpersoon zal het naakte DNA enige tijd aanwezig blijven in het lichaam. Afhankelijk van de omstandigheden kan dit een periode beslaan van enige weken tot maanden. Gedurende deze periode kunnen de volgende interacties van het naakte DNA met andere organismen optreden:  **1.** Na toediening van het naakte DNA preparaat kunnen in de proefpersoon genetisch gemodificeerde lichaamscellen ontstaan die kunnen vrijkomen uit het lichaam en zich in het milieu kunnen verspreiden. Daarnaast bestaat de mogelijkheid dat het naakte DNA zelf vrijkomt in het milieu en in contact komen met andere eukaryote cellen.  **2.** Indien het naakte DNA in contact komt met kiembaancellen, dan kunnen er genetisch gemodificeerde kiembaancellen ontstaan.  **3.** Het toegediende naakte DNA kan mogelijk in zijn geheel of gedeeltelijk worden geïntegreerd in een genoom van een virus, bijvoorbeeld door recombinatie.  **4.** Het naakte DNA kan tijdens of na de toediening in contact komen met bacteriën. Dit zal hoofdzakelijk kunnen gebeuren op de toedieningsplaats. In deze bacteriën kan het DNA gehandhaafd blijven als plasmide of door integratie in het genoom. Het kan zich verspreiden in het milieu doordat verspreiding van de bacteriën plaatsvindt, of door horizontale genoverdracht naar andere bacteriën. | Evaluatie van mogelijke gevolgen, indien ze optreden, en de waarschijnlijkheid van het schadelijke effect.  De gevolgen die kunnen optreden zijn afhankelijk van de eigenschappen die op het naakte DNA gecodeerd worden. Onder omstandigheden zou het bijvoorbeeld kunnen gaan om de productie van toxische eiwitten, of van eiwitten die de homeostase in het lichaam beïnvloeden. Omdat het gaat om medische toepassingen van naakt DNA, kan er vanuit worden gegaan dat de expressie van dergelijke eiwitten in een proefpersoon gewenst kan zijn. Expressie is ongewenst in personen die niet aan de proef deelnemen.  **1.** De kans op verspreiding van het toegediende naakte DNA door shedding is zeer laag. De achtergrond hiervan is: indien door directe injectie in het lichaam toegediend DNA de circulatie bereikt wordt het snel afgebroken in het bloed. In het lichaam zal het DNA worden blootgesteld aan nucleasen die een groot gedeelte van het DNA afbreken. Alleen kleine DNA fragmenten kunnen de nieren passeren en via de urine in het milieu terecht komen. In het ergste geval zal na toediening een kleine hoeveelheid van het naakte DNA vanuit de proefpersoon vrijkomen in het milieu. Het is onwaarschijnlijk dat het toegediende DNA in relevante hoeveelheden vrijkomt uit de patiënt, op een manier waardoor anderen in contact komen met het DNA, zodanig dat het opgenomen kan worden in lichaamscellen. Het DNA zal bovendien ook in het milieu worden blootgesteld aan afbraak, onder andere door nucleasen. De kans dat het toegediende naakte DNA in contact komt met andere eukaryote cellen en wordt opgenomen is daarom zeer onwaarschijnlijk.  Lichaamscellen van de proefpersoon, die het toegediende DNA hebben opgenomen, kunnen vrijkomen in het milieu. Vrijgekomen cellen hebben, onder milieuomstandigheden, zonder dat er bijzondere voorzorgen worden genomen voor hun instandhouding, geen overlevingskansen.  **2.** Het DNA wordt niet direct ingespoten in de geslachtsklieren. Uit experimentele gegevens in proefpersonen en proefdieren blijkt dat verticale transmissie van naakt DNA uitsluitend kan voorkomen indien naakt DNA direct in de geslachtsklieren wordt geïnjecteerd. Indien het naakte DNA na toediening buiten de geslachtsklieren de circulatie bereikt wordt het snel afgebroken in het bloed. Door toediening buiten de geslachtsklieren en afbraak in de circulatie wordt blootstelling van kiembaancellen aan het DNA dus afdoende voorkomen, en wordt opname van DNA door kiembaancellen effectief voorkomen.  **3.** Een voorwaarde voor gehele of gedeeltelijke integratie van het naakte DNA in het genoom van een virus is dat een cel tegelijkertijd zowel het toegediende naakte DNA moet bevatten als geïnfecteerd moet zijn met het betreffende virus. Wanneer het toegediende DNA deel uitmaakt van een virus kan het ingebouwd worden in een viruspartikel en verspreid worden door dit virus. De overdrachtsmogelijkheden van het DNA worden wanneer het deel uitmaakt van een virus aanzienlijk groter, aangezien het nu door een virusdeeltje kan worden meegenomen en door middel van infectie in een andere gastheer van dezelfde soort terecht kan komen via infectie.  Deze mogelijkheid van verspreiding van het DNA wordt hier effectief tegengegaan door ervoor te zorgen dat het naakte DNA geen sequenties draagt van virale oorsprong (hierbij worden sequenties van zowel DNA als RNA virussen in beschouwing genomen), of die zijn afgeleid van dergelijke virale sequenties. Een uitzondering hierop is de aanwezigheid in het naakte DNA van een CMV-promoter, een RSV-promoter, een SV40 polyadenyleringssignaal of een SV40 nucleaire ‘targeting’ sequentie) .  *CMV-promoter*  Indien het naakte DNA een CMV promoter bezit, kan daardoor homologe recombinatie optreden met een wildtype HCMV of met andere homologe virussen indien een cel tegelijkertijd het naakte DNA bevat en met een dergelijk virus geïnfecteerd is.  De vorming van recombinant HCMV virus door homologe recombinatie tussen HCMV en een gelineariseerd DNA is onder experimentele omstandigheden in humane fibroblasten bewerkstelligd. In de literatuur is een recombinant beschreven waarbij deze methode is toegepast. Het gaat daarbij om een lacZ gen dat in het HCMV genoom is geïntroduceerd tussen de regulatoire sequenties van één van de twee kopieën van het major β gen van HCMV, resulterend in expressie van het lacZ gen. Recombinatie werd bewerkstelligd met behulp van 5’ en 3’ homologe gebieden van respectievelijk 800 bp en 1600 basenparen. De groeikarakteristieken van het recombinante virus waren in humane fibroblasten identiek aan het oudervirus, waarbij wel instabiliteit van de lacZ insertie werd waargenomen. Op basis van deze informatie is het niet zonder meer uitgesloten dat ook in een lichaamscel een recombinatie gebeurtenis optreedt, waardoor een replicatie competent recombinant virus kan ontstaan, als die lichaamscel het toegediende DNA met HCMV sequenties bevat en tegelijkertijd geïnfecteerd raakt met het HCMV virus.  *Toepassing naakt DNA met CMV promoter in immuuncompetente proefpersonen.*  Gezien de wijze van toediening (directe injectie in de huid of dwarsgestreepte spieren en/of tatoeage) is het waarschijnlijk dat het naakte DNA alleen aanwezig is in de huid en/of spierweefsel rondom de injectieplaatsen. Hierdoor zullen vooral huidcellen of spiercellen het DNA opnemen. Aangezien HCMV in immuuncompetente mensen in het algemeen niet voorkomt in de huid of in het dwarsgestreept spierweefsel, is de kans op het optreden van homologe recombinatie tussen het DNA en HCMV en het ontstaan van nieuwe genetisch gemodificeerde virussen verwaarloosbaar klein. Indien door directe injectie (in de huid of dwarsgestreept spierweefsel) toegediend DNA de circulatie bereikt zal het snel worden afgebroken in het bloed. Daarbij is de halfwaardetijd in de orde van enkele minuten. Het is daarom onwaarschijnlijk dat de lage hoeveelheden DNA die in het bloed kunnen vrijkomen zullen leiden tot opname in endotheelcellen en witte bloedcellen waarin het HCMV latent aanwezig kan zijn. In het onwaarschijnlijke geval dat toch opname van het naakte DNA in deze cellen zou plaatsvinden, zou om recombinatie mogelijk te maken, sprake moeten zijn van gelijktijdige reactivatie van latent aanwezig HCMV virus in deze cellen, hetgeen in immuuncompetente personen onwaarschijnlijk is. De risico’s dat door toepassing van de HCMV promoter in immuuncompetente proefpersonen vorming van recombinante HCMV virussen optreedt en het daarmee gepaard gaande verspreidingsrisico zijn daarom verwaarloosbaar klein.  *Toepassing naakt DNA met CMV promoter in immuungecompromitteerde proefpersonen.*  In immuungecompromitteerde personen en pasgeborenen kan, bij primaire infectie of reactivatie van HCMV, brede disseminatie in het lichaam van HCMV optreden. In de literatuur zijn geen gegevens gevonden met betrekking tot het specifieke voorkomen van HCMV in de huid of in dwarsgestreept spierweefsel gedurende systemische HCMV ziekte, maar er kan niet worden uitgesloten dat in deze weefsels productieve HCMV infectie kan optreden. HCMV is in staat om in celkweek te repliceren in primaire humane huidcellen. Bij klinische studies met immuungecompromitteerde personen is er een verhoogde kans dat spiercellen of huidcellen die het geïnjecteerde DNA hebben opgenomen gelijktijdig geïnfecteerd raken met HCMV. Hierdoor kan sequentie-uitwisseling optreden door (homologe) recombinatie.  Er zijn verschillende mogelijkheden waarlangs het niet-viraal toegediende DNA zou kunnen recombineren met het HCMV DNA. Hierbij kan uitwisseling plaatsvinden van virale sequenties, wat slechts in bepaalde gevallen zou kunnen leiden tot veranderingen in het HCMV. Daarbij is niet duidelijk of dit leidt tot risico’s. De mogelijkheid dat, door toepassing van de HCMV promoter in immuungecompromitteerde proefpersonen en pasgeborenen, vorming van recombinante HCMV virussen optreedt en het daarmee gepaard gaande verspreidingsrisico, kan niet worden uitgesloten.  *RSV-promoter*  Indien het naakte DNA een RSV promoter bezit, kan daardoor homologe recombinatie optreden met een wildtype RSV of met andere homologe virussen indien een cel tegelijkertijd het naakte DNA bevat en met een dergelijk virus geïnfecteerd is.  Aangezien RSV specifiek voorkomt in vogels (kippen) en niet in de mens en andere zoogdieren, is de kans op het optreden van homologe recombinatie tussen het naakte DNA met een RSV promoter en RSV verwaarloosbaar klein. Daarmee is de kans op het ontstaan van nieuwe genetisch gemodificeerde virussen eveneens verwaarloosbaar.  De kans op het optreden van recombinatie met andere in de mens voorkomende retrovirussen is verwaarloosbaar klein, aangezien een sequentievergelijking tussen de RSV promoter en humane retrovirussen laat zien dat er slechts een zeer lage sequentiehomologie is. Voor fragment 168-192 van de RSV promoter is er een homologie van 21 basenparen (84%) met een HIV-1 isolaat uit Australië. Op basis van deze zeer lage BLAST score (28.5) zijn geen betere homologe sequenties gevonden, waarbij ook HIV-2, HTLV-1, -2, en *Foamy virus* meegenomen zijn. Concluderend kan gesteld worden dat de kans verwaarloosbaar klein is dat een cel geïnfecteerd is met RSV of een aan RSV verwant (humaan) retrovirus. De mogelijkheid dat het naakte DNA met een RSV promoter in contact komt met RSV of een verwant humaan retrovirus is daarmee eveneens verwaarloosbaar klein. De risico’s dat, door toepassing van de RSV promoter in proefpersonen, vorming van recombinante virussen optreedt en het daarmee gepaard gaande verspreidingsrisico zijn verwaarloosbaar klein.  *SV40 polyadenyleringssignaal*  Indien het naakte DNA een SV40 polyadenyleringssignaal bezit, kan daardoor homologe recombinatie optreden met een wildtype SV40 of met andere homologe virussen indien een cel tegelijkertijd het naakte DNA bevat en met een dergelijk virus geïnfecteerd is.  De SV40 early of late gene polyA signaal sequenties die in plasmiden worden toegepast hebben een lengte van rond de 200-300 basenparen. Recombinatie tussen een SV40 polyadenyleringssignaal in naakt DNA en SV40 in mensen is onwaarschijnlijk aangezien SV40 infecties bij mensen zelden voorkomen. Indien mensen geïnfecteerd zijn met SV40 dan blijft de biodistributie van het virus voornamelijk beperkt tot de nieren. Het naakte DNA zal na toediening in het lichaam via de bloedbaan de nieren kunnen bereiken. In de bloedbaan wordt naakt DNA echter snel afgebroken. De halfwaardetijd is in de orde van enkele minuten als gevolg van de aanwezigheid van onder meer nucleasen en fagocyterende cellen. Alleen indien het naakte DNA met een SV40 polyadenyleringssignaal en wildtype SV40 tegelijkertijd in eenzelfde cel aanwezig zijn, zou er door middel van recombinatie een genetisch gemodificeerd virus kunnen ontstaan. Het is echter zeer onwaarschijnlijk dat de lage hoeveelheden DNA die in het bloed kunnen vrijkomen zullen leiden tot opname in niercellen. Verwacht mag worden dat de homologie tussen een SV40 polyadenyleringssignaal en wildtype SV40 slechts in geringe mate zal bijdrage tot recombinatie, en daarom slechts in een geringe, verwaarloosbare mate zal bijdragen aan het verspreidingsrisico. Mede gezien de lange historie van veilig gebruik is de COGEM (CGM/120919-01) van mening dat voor toepassingen van een SV40 polyadenyleringssignaal in naakt DNA in mensen de risico’s voor mens en milieuverwaarloosbaar klein zijn.  *SV40 nucleaire ‘targeting’ sequentie*  Indien het naakte DNA een SV40 nucleaire ‘targeting’ sequentie bezit, kan daardoor homologe recombinatie optreden met een wildtype SV40 of met andere homologe virussen indien een cel tegelijkertijd het naakte DNA bevat en met een dergelijk virus geïnfecteerd is.  Een van de sequenties die toegepast worden is een sequentie van gemiddeld 100 bp van SV40. Zoals uit de bovengenoemde redenatie van een polyadenyleringssignaal met een SV40 fragment blijkt, is de kans op recombinatie met een wildtype SV40 virus onwaarschijnlijk. Verwacht mag worden dat de homologie tussen wildtype SV40 en een nucleaire ‘targeting’ sequentie van SV40 slechts in geringe mate zal bijdrage tot recombinatie, en daarom slechts in een geringe, verwaarloosbare mate zal bijdragen aan het verspreidingsrisico. Mede gezien de lange historie van veilig gebruik is de COGEM (CGM/120919-01) van mening dat voor toepassingen van een nucleaire ‘targeting’ sequentie van SV40 in naakt DNA in mensen, de risico’s voor mens en milieu verwaarloosbaar klein zijn.  4. Er is een zeer geringe kans op opname van naakt DNA door bacteriën, wat kan leiden tot expressie van op het DNA gecodeerde sequenties. Daarbij kunnen sequenties, met name antibioticaresistentiegenen, die de preventieve of therapeutische werking van antibiotica aantasten van belang zijn in het kader van de veiligheid van mens en milieu. | **1**. Het risico dat genetisch gemodificeerde lichaamscellen vrijkomen in het milieu en vervolgens kunnen persisteren of dat het naakte DNA vrijkomt in het milieu en wordt opgenomen in eukaryote cellen, is verwaarloosbaar klein.  **2.** Gezien de toedieningswijze buiten de geslachtsklieren is het risico dat genetisch gemodificeerde kiembaancellen ontstaan verwaarloosbaar klein.  **3.** Er zijn geen virale sequenties in het naakte DNA aanwezig, met uitzondering van een CMV-promoter, een RSV-promoter, een SV40 polyadenyleringssignaal en/of een SV40 nucleaire ‘targeting’ sequentie, die kunnen leiden tot recombinatie of andere interacties met virussen, waardoor milieurisico’s zouden kunnen ontstaan. Het risico dat naakt DNA zonder virale sequenties, met uitzondering van de hierboven genoemde sequenties, wordt ingebouwd in een virus en hierdoor naar derden wordt verspreid is verwaarloosbaar klein.  *CMV-promoter*  De risico’s dat, door toepassing van de CMV promoter in immuuncompetente proefpersonen, vorming van recombinante HCMV virussen optreedt en het daarmee gepaard gaande verspreidingsrisico zijn verwaarloosbaar klein. De mogelijkheid van recombinatie in immuungecompromitteerde personen en pasgeborenen kan echter niet worden uitgesloten.  *RSV-promoter*  De risico’s dat, door toepassing van de RSV promoter in proefpersonen, vorming van recombinante virussen optreedt en het daarmee gepaard gaande verspreidingsrisico zijn verwaarloosbaar klein.  *SV40 polyadenyleringssignaal*  De risico’s dat, door toepassing van de SV40 polyadenyleringssignaal in proefpersonen, vorming van recombinante virussen optreedt en het daarmee gepaard gaande verspreidingsrisico zijn verwaarloosbaar klein.  *SV40 nucleaire ‘targeting’ sequentie*  De risico’s dat, door toepassing van de SV40 nucleaire ‘targeting’ sequentie in proefpersonen, vorming van recombinante virussen optreedt en het daarmee gepaard gaande verspreidingsrisico zijn verwaarloosbaar klein.  **4.** Er is een geringe kans dat het naakte DNA zich verspreidt in het milieu door opname in bacteriën. Dit risico moet op afdoende wijze worden voorkomen. |
| **B. Selectieve voordelen** | | |
| Voor de milieurisicobeoordeling van naakt DNA toegepast in  medisch onderzoek zijn die selectieve voordelen  relevant die leiden tot verhoogde persistentie en invasiviteit.  De oorzaak-gevolg relaties die hierbij een rol spelen zijn  behandeld onder A. De vraag is of het naakte DNA als gevolg van de aanwezige sequenties of cellen die het naakte DNA hebben opgenomen een dusdanig selectief voordeel kan verkrijgen. | **Evaluatie van mogelijke gevolgen, indien ze optreden, en**  **de waarschijnlijkheid van het schadelijke effect.**  Naakt DNA is een molecuul zonder eigenschappen van een levend organisme of virus en kan als zodanig niet worden gezien als een GGO. De mogelijke gevolgen en de waarschijnlijkheid van een verhoogd selectief voordeel van naakt DNA is daarom niet aan de orde.  Toegediend naakt DNA kan in de proefpersoon terechtkomen in lichaamscellen, waardoor een aantal genetisch gemodificeerde cellen ontstaat. Verder bestaat de mogelijkheid dat het naakte DNA in zijn geheel of gedeeltelijk worden geïntegreerd in een genoom van een virus, bijvoorbeeld door recombinatie, of in contact komt met bacteriën. De beschouwing van mogelijke gebeurtenissen die vervolgens zouden kunnen optreden zijn beschreven onder onderdeel A. Zoals onder A beschreven is ook hier de verspreidingsroute via bacteriën of door recombinatie met virussen de enige relevante gebeurtenissen. | Er is een geringe kans dat het naakte DNA zich verspreidt in het milieu door opname in bacteriën of door recombinatie met virussen. Dit risico moet op afdoende wijze worden voorkomen. |
| **C. Kans op genoverdracht op andere soorten en de kans dat hierdoor selectieve voor- of nadelen op deze soorten worden overgedragen** | | |
| Genoverdracht op andere soorten kan plaatsvinden door  (homologe) recombinatie. Op de eerste plaats wordt in  beschouwing genomen of er overdracht plaats kan vinden naar  andere virussen of bacteriën. Die kans is op de eerste plaats  afhankelijk van de aanwezigheid van een verwant virus binnen  het zelfde celcompartiment waarin het naakte DNA zich bevindt.  Vervolgens zijn de kans op recombinatie en de eigenschappen  van het gevormde product afhankelijk van de genetische  opbouw van het naakte DNA. Van een mogelijk gevormde  recombinant moet vervolgens worden nagegaan in hoeverre  hieruit selectieve voor- of nadelen voortvloeien.  De vraag is dus of de sequenties in het naakte DNA kunnen  worden overgedragen naar andere virussen of bacteriën en of  dit vervolgens voor deze virussen of bacteriën kan leiden tot  een selectief voor- of nadeel. Selectieve voor- of nadelen  kunnen alleen optreden als de expressie van op het naakte DNA aanwezige sequenties vervolgens een interactie heeft met de virale of bacteriële levenscyclus. | **Evaluatie van mogelijke gevolgen, indien ze optreden, en**  **de waarschijnlijkheid van het schadelijke effect.**  Er bestaat de mogelijkheid dat het naakte DNA in contact komt met bacteriën. De beschouwing van mogelijke gebeurtenissen die vervolgens zouden kunnen optreden zijn beschreven onder onderdeel A.  Zoals reeds onder A besproken is kan niet volledig uitgesloten worden dat het naakte DNA met de genoemde virale sequenties in zijn geheel of gedeeltelijk worden geïntegreerd in een genoom van een virus, bijvoorbeeld door recombinatie. | Er is een geringe kans dat het naakte DNA zich verspreidt in het milieu door opname in bacteriën of door recombinatie met virussen. Dit risico moet op afdoende wijze worden voorkomen. |
| **D. Effecten op doel- en niet-doelpopulaties** | | |
| Effecten op de proefpersonen die aan de studie deelnemen (doelpopulatie) vallen niet onder het toetsingskader van de milieuregelgeving en worden om die reden hier niet direct in beschouwing genomen.  De effecten op de proefpersoon vallen onder de medische verantwoordelijkheid van de behandelende arts.  Effecten op niet-doelpopulaties zullen alleen op kunnen treden indien er sprake is van verspreiding van het naakte DNA in de omgeving van de proefpersoon. In dit onderdeel worden de eventuele effecten van het naakte DNA beoordeeld op mensen en dierenin de omgeving van de proefpersoon. Bij de beoordeling moet rekening worden gehouden met de te verwachten blootstellingsweg en mate van blootstelling.  De vraag is welke effecten de sequenties in het naakte DNA of de cellen die het naakte DNA hebben opgenomen kunnen hebben in de niet-doelpopulaties. Met effecten worden alle mogelijke (schadelijke en niet-schadelijke, zoals onder andere toxische en allergene) effecten bedoeld met uitzondering van gezondheidseffecten. Gezondheidseffecten worden onder onderdeel E besproken. | **Evaluatie van mogelijke gevolgen, indien ze optreden, en**  **de waarschijnlijkheid van het schadelijke effect.**  Naakt DNA is een molecuul zonder eigenschappen van een levend organisme of virus en kan als zodanig niet worden gezien als een GGO. De mogelijke gevolgen en de waarschijnlijkheid van effecten op doel en niet-doel populaties van naakt DNA is daarom niet aan de orde. Toegediend naakt DNA kan in de proefpersoon terechtkomen in lichaamscellen, waardoor een aantal genetisch gemodificeerde cellen ontstaat. Verder bestaat de mogelijkheid dat het naakte DNA in zijn geheel of gedeeltelijk worden geïntegreerd in een genoom van een virus, bijvoorbeeld door recombinatie, of in contact komt met bacteriën. De beschouwing van mogelijke gebeurtenissen die vervolgens zouden kunnen optreden zijn beschreven onder onderdeel A. Zoals onder A beschreven is ook hier de verspreidingsroute via bacteriën of door recombinatie met virussen de enige relevante gebeurtenissen. | Er is een geringe kans dat het naakte DNA zich verspreidt in het milieu door opname in bacteriën. Dit risico moet op afdoende wijze worden voorkomen. |
| **E. Mogelijke effecten op menselijke gezondheid** | | |
| De vraag is welke effecten de sequenties in het naakte DNA of de cellen die het naakte DNA hebben opgenomen kunnen hebben op de gezondheid van de mens met uitzondering van de proefpersoon. Bij de beoordeling moet rekening worden gehouden met de te verwachten blootstellingsweg en mate van blootstelling. | **Evaluatie van mogelijke gevolgen, indien ze optreden, en**  **de waarschijnlijkheid van het schadelijke effect.**  Naakt DNA is een molecuul zonder eigenschappen van een levend organisme of virus en kan als zodanig niet worden gezien als een GGO. De mogelijke gevolgen en de waarschijnlijkheid van effecten op de menselijke gezondheid van naakt DNA is daarom niet aan de orde. Toegediend naakt DNA kan in de proefpersoon terechtkomen in lichaamscellen, waardoor een aantal genetisch gemodificeerde cellen ontstaat. Verder bestaat de mogelijkheid dat het naakte DNA in zijn geheel of gedeeltelijk worden geïntegreerd in een genoom van een virus, bijvoorbeeld door recombinatie, of in contact komt met bacteriën. De beschouwing van mogelijke gebeurtenissen die vervolgens zouden kunnen optreden zijn beschreven onder onderdeel A. Zoals onder A beschreven is ook hier de verspreidingsroute via bacteriën of door recombinatie met virussen de enige relevante gebeurtenissen. | Er is een geringe kans dat het naakte DNA zich verspreidt in het milieu door opname in bacteriën of door recombinatie met virussen.. Dit risico moet op afdoende wijze worden voorkomen. |
| **F. Mogelijke effecten op de menselijke en diergezondheid ten gevolge van consumptie** | | |
| Er is geen sprake van consumptie. | **Evaluatie van mogelijke gevolgen, indien ze optreden, en**  **de waarschijnlijkheid van het schadelijke effect.**  Niet van toepassing | Het risico van mogelijke effecten op menselijke en  diergezondheid ten gevolge van consumptie is niet van toepassing. |
| **G. Effecten op microbiële populaties in mens, dier of milieu** | | |
| In het algemeen wordt hieronder verstaan de negatieve  effecten die GGO’s kunnen hebben op (micro-) organismen die  voorkomen als commensalen, of die verantwoordelijk zijn voor  kringlopen van nutriënten of afbraak van organisch materiaal.  De vraag is welke effecten de sequenties in het naakte DNA  of de cellen die getransformeerd zijn met het naakte DNA  kunnen hebben op andere microbiële populaties in mens, dier  of het milieu. | **Evaluatie van mogelijke gevolgen, indien ze optreden, en**  **de waarschijnlijkheid van het schadelijke effect.**  Zoals reeds onder A beschreven kan het naakte DNA tijdens of na de toediening in contact komen met bacteriën. Dit zal hoofdzakelijk kunnen gebeuren op de toedieningsplaats.  Er is een zeer geringe kans op opname van naakt DNA door bacteriën, wat kan leiden tot expressie van op het DNA gecodeerde genen. Daarbij kunnen vooral antibioticum resistentiegenen van belang zijn, waarvan het in het algemeen niet wenselijk wordt geacht dat deze zich in het milieu verspreiden. | Er is een geringe kans dat het naakte DNA zich verspreidt in het milieu door opname in bacteriën. Dit risico moet op afdoende wijze worden voorkomen. |
| **H. Het in gevaar brengen van preventieve of therapeutische medische en veterinaire behandelingen** | | |
| Het gaat hier om de vraag of de preventieve of therapeutische werking van bijvoorbeeld antibiotica aangetast kan worden door de behandeling. | Evaluatie van mogelijke gevolgen, indien ze optreden, en de waarschijnlijkheid van het schadelijke effect. Indien het DNA een of meerdere antibioticaresistentiegenen bevat, die in prokaryoten tot expressie kunnen komen, dan bestaat de kans dat deze genen worden overgedragen op bacteriën (zie onderdeel A). | Er is een geringe kans dat het DNA zich verspreidt in het milieu door opname in bacteriën of door recombinatie met virussen. Dit risico moet op afdoende wijze worden voorkomen. |

## DEEL 3. Bepaling van het algehele risico van de toepassing van naakt DNA.

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Schatting van het risico dat aan de toepassing is verbonden** | **Strategieën voor risicobeheer bij de doelbewuste introductie van de GGO’s.** | **Bepaling van het algehele risico van het**  **GGO** |
| Er is een zeker risico geconstateerd dat verbonden is aan verspreiding van het naakte DNA in het milieu ten gevolge van opname in bacteriën en mogelijke recombinatie met virussen. | Het geconstateerde risico van opname van naakt DNA door bacteriën kan worden verlaagd door de kans dat dit plaatsvindt te verkleinen op de plek waar de kans op een dergelijke opname het grootst is: op de huid, op de plaats waar de toediening plaats vindt. Opname van DNA door bacteriën kan effectief worden tegengegaan door de toedieningsplaats te desinfecteren met een op alcohol gebaseerd desinfectans, waardoor op de huid aanwezige bacteriën worden afgedood, en door na de toediening eventueel nog op de huid aanwezig DNA weg te wassen met steriel water of een steriele zoutoplossing.  Indien het naakte DNA een antibioticum-resistentie gen tegen uitsluitend kanamycine of neomycine bevat, dient selectieve druk op bacteriën in de huid, die een plasmide met dit antibioticum-resistentie genop hebben genomen, voorkomen te worden door kanamycine en neomycine niet te gebruiken tijdens de klinische studie.  Het geconstateerde mogelijke risico van recombinatie tussen wildtype virussen en naakt DNA met een CMV-promoter kan worden verlaagd door de kans op recombinatie te verkleinen. Door de volgende voorwaarden te stellen aan de genoemde virale sequenties wordt deze kans verkleind:  - een CMV-promoter, toegepast bij mensen met uitsluiting van immuungecompromitteerde proefpersonen en pasgeboren; | Het algehele risico is, onder toepassing van de aanvullende voorschriften en voorwaarden,verwaarloosbaar klein. |

# 

# A4. Conclusions of the possible environmental effects

*Directive 2001/18/EC Annex II under Point D.1 gives a number of aspects that should be used whenever applicable as the basis of the conclusions about the possible environmental effects of the introduction of the GMP into the environment. All these points should be taken into account when drafting the conclusions of the risk analysis.*

1. **Likelihood of the GMO to become persistent and invasive in natural habitats under the conditions of the proposed release(s).**The likelihood of the naked nucleic acid becoming persistent and invasive is negligible, because the naked DNA will not lead to the creation of a GMO that itself will have persistent or invasive properties. The probability of transmission of the naked DNA by bacteria, the creation of recombinant viruses, or the transmission of the plasmid via the germ cells is also negligible.
2. **Any selective advantage or disadvantage conferred to the GMO and the likelihood of this becoming realized under the conditions of the proposed release(s).**The likelihood of an increased selective advantage when using the naked nucleic acid is negligible, because the naked DNA will not lead to the creation of a GMO that itself will have selective advantages or disadvantages. The probability of transmission of the plasmid by bacteria, the creation of recombinant viruses, or transmission of the naked DNA via the germ cells is also negligible.
3. **Potential for gene transfer to other species under conditions of the proposed release of the GMO and any selective advantage or disadvantage conferred to those species.**The likelihood of transmission to other species when using the naked nucleic acid is negligible, because the naked DNA will not lead to the creation of a GMO that will end up in the environment in an actively transferable form. The probability of transmission of the plasmid by bacteria, the creation of recombinant viruses, or transmission of the naked DNA via the germ cells is also negligible.
4. **Potential immediate and/or delayed environmental impact of the direct and indirect interactions between the GMO and non-target organisms (if applicable).**The likelihood of environmental impacts on target organisms when using the naked nucleic acid is negligible, because the naked DNA will not lead to the creation of a GMO that will end up in the environment in an actively transferable form. The test subject’s cells that will be genetically modified through the uptake of the plasmid DNA are not viable by themselves outside the test subject, and will not survive in the environment. The probability of transmission of the naked DNA, the creation of recombinant viruses, or transmission of the plasmid via the germ cells is also negligible.
5. **Possible immediate and/or delayed effects on human health resulting from potential direct and indirect interactions of the GMO and persons working with, coming into contact with or in the vicinity of the GMO release(s).**The likelihood of any effects on human health when using the naked nucleic acid is negligible, because the naked DNA will not lead to the creation of a GMO that itself will have a negative impact on human health. The probability of transmission of the naked DNA by bacteria, the creation of recombinant viruses, or transmission of the plasmid via the germ cells is also negligible.
6. **Possible immediate and/or delayed effects on animal health and consequences for the feed/food chain resulting from consumption of the GMO and any product derived from it, if it is intended to be used as animal feed.**Since there is no question of consumption, there will also be no related impact on the feed/food chain.
7. **Possible change in the current medical practice.**The likelihood of changes in current medical practice caused by the application of the naked nucleic acid is negligible, because the naked DNA will not lead to the creation of a GMO that itself will have an impact on current medical practice. The probability of transmission of the plasmid by bacteria, the creation of recombinant viruses, or transmission of the plasmid via the germ cell is also negligible.

1. Literatuur: Staras SA, *et al.* (2006) Clin Infect Dis. Nov 1;43(9):1143-51; Lilja AE and Mason PW. (2012) Vaccine. Nov 19;30(49):6980-90; Sinzger C *et al.* (2008) Curr Top Microbiol Immunol.;325:63-83; Reeves M and Sinclair J. (2008) Curr Top Microbiol Immunol.;325:297-313; Jarvis MA and Nelson JA. (2007) J Virol. Mar;81(5):2095-101; Bronzini M. *et al.* (2012) J Virol. Jun;86(12):6875-88; Spaete RR and Mocarski ES. (1987) Proc Natl Acad Sci U S A. Oct;84(20):7213-7 [↑](#footnote-ref-1)
2. Literatuur: Bova-Hill C *et al*. (1991) J. Virol. 65: 2073-2080; Welsh RM *et al.* (1975) Nature 257(5527):612-4; Linial, M., and R. A. Weiss. (2001). p. 2123-2139. in D. M. Knipe and P. M. Howley (ed.), Fields virology, 4th ed. Lippincott Williams & Wilkins, Philadelphia, Pa; Takeuchi et al. (1997) J Virol. 71(8):6174-8. [↑](#footnote-ref-2)
3. Referenties: Van den Berg JH & Haanen JBAG (2010). Gene therapy with naked DNA: potential steps towards deregulation. COGEM onderzoeksrapport CGM/2010-06; COGEM adviezen CGM/041223-02, CGM/101026-06, CGM/120919-01 en CGM/ 120927-01. [↑](#footnote-ref-3)
4. Literatuur: Horváth LB. (1965) Acta Microbiol Acad Sci Hung. 12(2):201-5; Shah KV. (1966) Proc Soc Exp Biol Med. Jan;121(1):303-7; Martini F, *et al.* (2007) Infect Agent Cancer. Jul 9;2:13; Vanchiere JA, *et al.* (2005) J Med Virol. Mar;75(3):447-54; Minor P, *et al.* (2003) Virology. Sep 15;314(1):403-9; http://www.cancer.gov/newscenter/newsfromnci/2004/sv40 (1 juli 2013) [↑](#footnote-ref-4)